



(12)发明专利申请

(10)申请公布号 CN 106011136 A

(43)申请公布日 2016. 10. 12

(21)申请号 201610493136.X

(22)申请日 2016.06.29

(71)申请人 中国农业科学院麻类研究所

地址 410205 湖南省长沙市岳麓区咸嘉湖
西路348号

(72)发明人 陈建华 栾明宝 王晓飞 许英
孙志民

(74)专利代理机构 北京远大卓悦知识产权代理
事务所(普通合伙) 11369

代理人 史霞

(51)Int.Cl.

C12N 15/11(2006.01)

C12Q 1/68(2006.01)

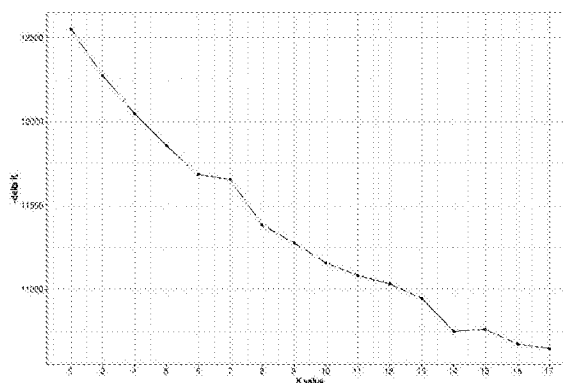
权利要求书1页 说明书10页
序列表40页 附图2页

(54)发明名称

与苧麻产量关联的SSR标记及其应用

(57)摘要

本发明公开了一种与苧麻产量关联的SSR标记,包括SSR标记RAM144和RAM123。本发明还公开了与苧麻产量关联的SSR标记在培育苧麻新品种中的用途和与苧麻产量关联的SSR标记在稳定或提高苧麻产量中的用途。本发明提供的SSR标记与苧麻的产量直接相关,本发明为今后筛选优良种质、基因定位和克隆以及分子标记辅助育种打下基础,本发明的SSR标记能够用于苧麻的分子育种及提高苧麻产量中。对于现阶段我国苧麻的育种和生产具有重要意义。同时,本发明也为分子标记育种提供了有益的借鉴。



1. 一种与苧麻产量关联的SSR标记,包括SSR标记RAM144和RAM123。
2. 如权利要求1所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,还包括SSR标记RAM598、RAM156和RAM130。
3. 如权利要求1所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,还包括SSR标记RAM39。
4. 如权利要求3所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,还包括SSR分子标记RAM147。
5. 如权利要求2所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,所述SSR分子标记RAM144和RAM123与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联,所述SSR标记RAM598、RAM156和RAM130与苧麻第二季麻和第三季麻的株高相关联。
6. 如权利要求3所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,所述SSR标记RAM39与苧麻头季麻和第二季麻的单莖分株数相关联。
7. 如权利要求4所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,所述SSR标记RAM147与苧麻的第二季麻和第三季麻的单莖分株数相关联。
8. 如权利要求2所述的与苧麻产量关联的SSR标记,其特征在于,所述SSR标记RAM144还与苧麻的第二季麻和第三季麻的出麻率相关联,所述SSR分子标记RAM156还与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联。
9. 权利要求1所述的与苧麻产量关联的SSR标记在培育苧麻新品种中的用途。
10. 如权利要求1所述的与苧麻产量关联的SSR标记在稳定或提高苧麻产量中的用途。

与苧麻产量关联的SSR标记及其应用

技术领域

[0001] 本发明涉及一种与苧麻产量关联的SSR标记及其应用。

背景技术

[0002] 苧麻(*Boehmerianivea*L.Gaud),又叫“中国草”,起源于中国,为荨麻科苧麻属的多年生宿根性草本植物,是具有中国特色的天然纺织原料。目前,苧麻是我国第二大纤维作物。尽管苧麻产量相比以前已有了较大提高,但提高纤维产量仍是苧麻育种的重要目标。作物的产量性状是极其复杂的数量性状,是作物整个生命周期内一系列生长发育过程和环境互作的最终产物,通常由多基因控制。苧麻纤维产量构成要素包括株高、茎粗、皮厚、出麻率和分株力等子性状。研究表明,这些性状是数量性状,其遗传受微效多基因控制,通过传统育种技术进行遗传改良效率受限。

[0003] 寻找目标数量性状连锁分子标记,通过分子标记辅助选择,可以有效提高数量性状的遗传改良进程。现代育种有必要利用植物遗传多样性平台,并结合最新的基因组技术来发现新基因或等位基因,用于性状的改良。利用DNA分子标记技术和QTL(quantitative trait loci)作图方法对苧麻产量相关性状的QTL报道较少,报道的连锁分子标记仅有33个,限制了分子标记在育种上的利用。基于连锁不平衡(Linkage disequilibrium,LD)的关联分析(Association analysis)是挖掘新等位基因的有效方法。关联分析以自然群体为研究对象,以长期重组后保留下来的基因(位点)间连锁不平衡为基础,将目标性状表型的多样性与基因(或标记位点)的多态性结合起来分析,可直接鉴定出与表型变异密切相关且具有特定功能的基因位点或标记位点。

发明内容

[0004] 本发明的一个目的是解决至少上述问题和/或缺陷,并提供至少后面将说明的优点。

[0005] 本发明还有一个目的是提供一种与苧麻产量关联的SSR标记,以解决苧麻分子育种中连锁分子标记少的问题。

[0006] 本发明再有一个目的是提供与苧麻产量关联的SSR标记在培育苧麻新品种中的用途。

[0007] 本发明另有一个目的是提供与苧麻产量关联的SSR标记在稳定或提高苧麻产量中的用途。

[0008] 为此,本发明提供的技术方案为:

[0009] 一种与苧麻产量关联的SSR标记,包括SSR标记RAM144和RAM123。

[0010] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,还包括SSR标记RAM598、RAM156和RAM130。

[0011] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,还包括SSR标记RAM39。

[0012] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,还包括SSR分子标记RAM147。

[0013] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,所述SSR分子标记RAM144和RAM123与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联,所述SSR标记RAM598、RAM156和RAM130与苧麻第二季麻和第三季麻的株高相关联。

[0014] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,所述SSR标记RAM39与苧麻头季麻和第二季麻的单莖分株数相关联。

[0015] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,所述SSR标记RAM147与苧麻的第二季麻和第三季麻的单莖分株数相关联。

[0016] 优选的是,所述的与苧麻产量关联的SSR标记中,所述SSR标记RAM144还与苧麻的第二季麻和第三季麻的出麻率相关联,所述SSR分子标记RAM156还与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联。

[0017] 所述的与苧麻产量关联的SSR标记在培育苧麻新品种中的用途。

[0018] 所述的与苧麻产量关联的SSR标记在稳定或提高苧麻产量中的用途。

[0019] 本发明至少包括以下有益效果:

[0020] 与传统QTL定位方法相比,GWAS采用遗传背景丰富的自然群体为材料,不需要花多年时间构建特定的分离群体,具有作图定位精度高、能同时扫描控制目标性状所有关联位点的优点。

[0021] 本发明提供的SSR标记与苧麻的株高和单莖分株数相关,而株高和单莖分株数与苧麻的产量直接相关,为今后筛选优良种质、基因定位和克隆以及分子标记辅助育种打下基础,本发明的SSR标记能够用于苧麻的分子育种及提高苧麻产量中。对于现阶段我国苧麻的育种和生产具有重要意义。同时,本发明也为分子标记辅助育种提供了有益的借鉴。

[0022] 本发明的其它优点、目标和特征将部分通过下面的说明体现,部分还将通过对本发明的研究和实践而为本领域的技术人员所理解。

附图说明

[0023] 图1为本发明其中一个实施例中 ΔK 值随亚群个数变化的示意图。

[0024] 图2为本发明107份种质资源的进化树。

[0025] 注:图中每个分枝为一个样品。0.05表示在固定长度的样品间的遗传距离。

[0026] 图3为本发明中SSR标记连锁强度 r^2 统计图的一部分。

具体实施方式

[0027] 下面结合附图对本发明做进一步的详细说明,以令本领域技术人员参照说明书文字能够据以实施。

[0028] 应当理解,本文所使用的诸如“具有”、“包含”以及“包括”术语并不配出一个或多个其它元件或其组合的存在或添加。

[0029] 本发明以107份苧麻自然群体为材料,利用具有多态性的95对SSR分子标记,分析遗传多样性、群体结构等;并对其株高、分株力等性状进行一年3个环境重复鉴定以及皮厚、出麻率等性状进行一年2个环境重复鉴定,并对其以上性状和分子标记进行关联分析,发掘与其相关的SSR位点,为苧麻产量性状的QTL定位及其改良等研究提供科学依据。

[0030] 本发明提供一种与苧麻产量关联的SSR标记,包括SSR标记RAM144和RAM123。

[0031] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,还包括SSR标记RAM598、RAM156和RAM130。

[0032] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,还包括SSR标记RAM39。

[0033] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,还包括SSR分子标记RAM147。

[0034] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,所述SSR分子标记RAM144和RAM123与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联,所述SSR标记RAM598、RAM156和RAM130与苧麻第二季麻和第三季麻的株高相关联。

[0035] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,所述SSR标记RAM39与苧麻头季麻和第二季麻的单莖分株数相关联。

[0036] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,所述SSR标记RAM147与苧麻的第二季麻和第三季麻的单莖分株数相关联。

[0037] 在本发明的其中一个实施例中,作为优选,所述的与苧麻产量关联的SSR标记,所述SSR标记RAM144还与苧麻的第二季麻和第三季麻的出麻率相关联,所述SSR分子标记RAM156还与苧麻头季麻和第二季麻的株高相关联。

[0038] 本发明还提供所述的与苧麻产量关联的SSR标记在培育苧麻新品种中的用途。

[0039] 本发明还提供所述的与苧麻产量关联的SSR标记在稳定或提高苧麻产量中的用途。

[0040] 1材料与方法

[0041] 1.1供试材料

[0042] 以107份苧麻核心种质资源为研究材料(见表1)。

[0043] 1.2田间试验和性状调查

[0044] 2014年4月下旬在湖南长沙望城实验基地种植107份苧麻种质资源的扦插苗。行距1m,株距60cm,单行区,每行4株(兜)。随机区组设计,两次重复。2015年6月、8月、10月分别调查头季麻、第二季麻、第三季麻的株高、分株力等性状。其中每个小区调查15株的株高;调查4兜麻的分株力。调查方法参照《苧麻种质资源描述规范和数据标准》。

[0045] 1.3SSR分子标记分析

[0046] 利用CTAB植物基因组DNA快速提取试剂盒提取DNA。用1%琼脂糖凝胶电泳检测纯度与浓度。参照Chen等^[6]的方法进行SSR-PCR。PCR产物烯酰胺凝胶垂直电泳进行检测,银染检测多态性,拍照记录条带。

[0047] 表1 107份苧麻种质资源

[0048]

品种编号	品种名称	品种类型	地理来源	品种编号	品种名称	品种类型	地理来源
1	稀节巴	地方品种	湖南沅江市	515	南城薄皮苧麻	地方品种	江西南城县
2	泰山稀节巴	地方品种	湖南沅江市	525	小叶芦秆	地方品种	江西永丰县
6	沅江大叶白	地方品种	湖南沅江市	527	野篦子	地方品种	江西永丰县
8	汉寿肉麻	地方品种	湖南汉寿县	534	小骨白	地方品种	江西武宁县
10	宜章圆麻	地方品种	湖南宜章县	548	高安麻	地方品种	江西高安县
12	坐兜麻 1	地方品种	湖南平江县	560	阳朔鸡骨白	地方品种	广西阳朔县
14	红脚麻	地方品种	湖南加东县	573	黑皮麻	地方品种	广西荔浦县
15	牛蹄麻	地方品种	湖南加东县	579	草步青麻	地方品种	广西藤县
33	葛根麻	地方品种	湖南永顺县	590	黎县家麻	地方品种	广西黎县
40	新宁青麻	地方品种	湖南新宁县	607	桐木青麻	地方品种	广西象州县
55	湘兰 1 号	新品种	湖南沅江市	684	青叶苧麻	地方品种	海南保亭县
59	青麻苎	地方品种	海南保亭县	757	阳新细叶绿	地方品种	湖北阳新县
60	黄麻苎	地方品种	海南保亭县	775	武昌山坡苧麻 1 号	地方品种	湖北武昌县
61	黑皮兜	地方品种	广西平乐县	797	咸宁大叶绿	地方品种	湖南咸宁县
71	黔兰 1 号	选育品种	贵州麻科所	822	红骨箭	地方品种	湖北广济县
79	川兰 2 号	选育品种	四川达县	847	山阳苧麻	地方品种	陕西山阳县
80	采昌苧麻	地方品种	重庆荣昌县	860	黄皮大麻	地方品种	四川巴县
81	旬阳绿白麻	地方品种	陕西旬阳县	913	南充苧麻	地方品种	四川南充县
82	汉中苧麻	地方品种	陕西汉中市	957	小青秆	地方品种	四川省渠县
83	丝麻	地方品种	陕西安康县	966	平昌家麻	地方品种	四川平昌县
86	印度苧麻	引进品种	印度	991	合江青麻	地方品种	四川合江县
102	苦瓜青	地方品种	湖南宁远县	1025	79-20	新品系	
111	耒阳黄壳麻	地方品种	湖南耒阳市	1085	务川白麻	地方品种	贵州务川县
119	长沙青叶麻	地方品种	湖南长沙县	1180	盛坝线麻	地方品种	湖北恩施县
120	油漆麻	地方品种	湖南大庸县	1210	黄金兜	地方品种	湖北建始县
124	细叶白	地方品种	湖南双峰县	1214	恩施青麻 2 号	地方品种	湖北恩施县
126	黄儿麻	地方品种	湖南湘乡县	1225	西宁线麻	地方品种	重庆涪陵县
185	江口青皮苧麻	地方品种	贵州江口县	1226	满园串 1 号	地方品种	湖北恩施县
188	紫阳大叶泡	地方品种	陕西紫阳县	1268	S-1-6	新品系	湖南农大
192	宜春铜皮青	地方品种	江西宜春市	1276	遂宁苧麻	地方品种	湖南农大
195	天台铁麻	地方品种	浙江天台县	1345	新铺苧麻	地方品种	贵州遵义市
208	衢县苧麻	地方品种	浙江衢县	1352	思茅红苧麻	地方品种	云南普洱县
248	广皮麻	地方品种	江西瑞昌县	1360	安龙苧麻 2 号	地方品种	四川安龙县
267	里达苧麻	地方品种	云南富宁县	1363	广东黄皮兜 2 号	地方品种	贵州麻类所
275	勐拉苧麻	地方品种	云南金平县	1372	栗木青麻	地方品种	贵州罗甸县
296	日本苧麻 5 号	引进品种	巴西	1377	太浴见刀白	地方品种	湖北大冶县
337	榕江白麻 1 号	地方品种	贵州榕江县	1406	印尼 1 号	引进品种	印尼
340	锦屏青麻	地方品种	贵州锦屏县	1407	印尼 2 号	引进品种	印尼
414	黄平黄秆麻	地方品种	贵州黄平县	1408	印尼 3 号	引进品种	印尼
429	遵义串根麻	地方品种	贵州遵义县	1421	洗马土麻	地方品种	广西上思县
440	新以青麻	地方品种	贵州道真县	1431	定业苧麻	地方品种	广西融城县
449	黄皮秆	地方品种	江西上高县	1439	天排山野麻	地方品种	广西天峨县
450	分宜黄庄苧	地方品种	江西分宜县	1441	福利丝麻	地方品种	四川云阳县
454	绿竹白	地方品种	江西萍乡市	1443	协力青麻	地方品种	四川云阳县
456	白叶麻	地方品种	江西吉安	1454	高堤青麻	地方品种	四川西阳县
461	大叶红绿麻	地方品种	江西永丰县	1455	四川高堤白麻	地方品种	四川西阳县
466	黎川厚皮苧麻	地方品种	江西黎川县	1464	塘坝苧麻	地方品种	四川南川县
468	资溪麻	地方品种	江西资溪县	1474	山青白麻	地方品种	重庆涪陵
471	南城厚皮苧麻	地方品种	江西南城县	1479	永菁青麻	地方品种	贵州毕节
484	天宝麻	地方品种	江西吉丰县	1484	宜汉苧麻	地方品种	四川达县
485	宜黄家麻	地方品种	江西资溪县	中饲苧	中饲苧 1 号	选育品种	
489	玉山麻	地方品种	江西玉山县	中苧 1	中苧 1 号	选育品种	
502	黄青兜	地方品种	江西吉安县	中苧 2	中苧 2 号	选育品种	
509	宁都罗麻	地方品种	江西宁都县				

[0049]

1.4统计方法

[0050]

利用SPSS软件统计表型性状的正态分布情况和相关分析;利用软件Popgene1.32

(version 1.31)计算Shannon多样性指数、观测等位基因数(N_a)、有效等位基因数(N_e)、观测杂合度(H_o)和期望杂合度(H_e);基于各个样品在各SSR位点的基因型,利用K-means聚类算法,获得各种质间的进化树;利用STRUCTURE2.2软件,按照数学模型划分物种的类群,并计算材料对应的Q值(即第i个材料其基因组变异源于第k个群体的概率)(王艳敏等,2008;王西成等,2010),作为协方差消除关联分析的假阳性,以保证物种群体结构的分析结果准确有效。利用Popgene软件计算LD的方差组分;运用TASSEL软件的MLM程序,以得到的K矩阵和群体Q值矩阵作为协方差,在显著性水平 $P < 0.05$ 下,将分子数据分别跟多个环境数量性状数据进行Q+K+MLM混合线性模型的逻辑回归率检验。

[0051] 2结果与分析

[0052] 2.1表型性状正态分布检验和相关分析

[0053] 由表1可以看出,株高头季麻最高,三季麻最低;头季麻和二季麻均符合正态分布,三季麻不符合正态分布。分株数头季麻最低,三季麻最高;头季麻、二季麻均不符合正态分布,而三季麻符合正态分布。

[0054] 表1正态分布检测表

	性状	季别	平均数	标准差	显著性	是否正态分布
[0055]	株高	头季麻	153.02	19.13	0.63	是
		二季麻	110.42	14.32	0.37	是
		三季麻	96.81	16.17	0.012	否
	株数	头季麻	7.76	2.62	0	否
		二季麻	9.49	2.65	0.001	否
		三季麻	11.67	3.06	0.59	是

[0056] 表2产量性状相关系数

	季别	性状	株高	株数
[0057]	头季麻	株高	1	0.014
		株数		1
	二季麻	株高	1	0.078
		株数		1
	三季麻	株高	1	0.026
		株数		1

[0058] 由表2可以看出,株数在头季麻、二季麻均表现极显著负相关。

[0059] 2.2遗传多样性分析

[0060] 利用95对SSR多态性引物对107份苧麻核心种质进行扩增,共扩增出255个多态性条带。每个位点等位基因数平均为2.6559,分布在2~5之间;基因多样性平均为0.5211,分布在0.2276~0.7258之间;期望杂合度最低0,最高0.90;观察杂合度最低0.05,最高1.00。

[0061] 表3 95对SSR引物信息

[0062]

Marker	FORWARD PRIMER1 (5'-3')	SEQ ID NO:	REVERSE PRIMER1 (5'-3')	SEQ ID NO:
RAM0006	TCAGTGTAATGCGTATGCGG	1	TGGGGTTCCAGCAGTAAGAC	2
RAM0007	CAAAGCTTGAGCAACCATGA	3	AGACGAGAAAGAGCGAGCTG	4
RAM0010	CTGGGCATCCAAACAGAGTT	5	AGCATCGCTCTCTCTATCGC	6
RAM0018	CCACCCACCTACAACGAAAT	7	GAAGCTGATGGAGTGCCCTC	8
RAM0020	GGCATAGGGAGTGAACCAAA	9	GAAACGCACCCTTAATCCAA	10
RAM0021	CCTCTCGGCTCTCTCTCTCA	11	CGTGATCGATATGGTGATCG	12
RAM0023	GACTTTGATCGAGTGCGACA	13	TTCTGTTCCCTAAGCTCCGA	14
RAM0024	CAGAGGAATCATCAGCACCA	15	AAAGGCTGGGTGATTGTGTG	16
RAM0030	TCGATCCCGATAAGATCCTG	17	AACAACATCAACCACACGGA	18
RAM0032	ATTCTGCTGCTGCTGTCTCA	19	AGGCCAAAAGCATCTTCTCA	20
RAM0033	GAGGTTGGCGGAGGAGAT	21	ACGCTCTACTAGCCTTTGGG	22
RAM0039	GAGATTCCGGGGACGTAAAT	23	ACGACGAGAAGGAGTGAAAA	24
RAM0083	AAAGAGAAGAGAGGGTCGGC	25	CCAACGTTGTGTCGTTTCAC	26
RAM0084	GCTTTGAAAGAGAGAGTGAGAG	27	ACACAGATCCAACATGCCAA	28
RAM0097	ACATGGCTTGGCTTCTGAGT	29	CCCTTCTGTTCTGCGTTT	30
RAM0108	GCTTGACCTTGAAGAGGACC	31	TCAGCAACAACAACACGACA	32
RAM0109	AAGAGGATGAGAGCCAAGCA	33	CTTTACAAAACGGCGTGACA	34
RAM0115	CCAATAGCTTCTTCTCGCTG	35	ATGAGCTTGTGGAGCTTGG	36
RAM0117	CCAAGGAAGGCGTCTTGATA	37	CTCGCTGAAGAACGTGTTGA	38
RAM0118	GCTGCTCTGGCTTGGACTC	39	GAGGTGCATTACAGAGGCGT	40
RAM0119	GTTTGGGTTTGGGAAGACCT	41	TGATCTGAGTGTGGAAAGCG	42
RAM0120	GGGTGCTTAGCTTCTCCCTT	43	GTCGTGTTTGACGATGGTTG	44
RAM0122	GCGTAGAGGATCACCAGACC	45	TCGTCTTCAACCAACAACCA	46

[0063]	RAM0123	CAAAACGGTGACGTACAGGA	47	CGAAACCCAGAAGCAGAAGA	48
	RAM0124	CGGAAATTCGATCGGAGATA	49	AAGCTTTTCCATGACTGGGA	50
	RAM0127	TGATCTCATCACCTCCACCA	51	TTGCTAACAAGGGCCGATAC	52
	RAM0128	TGGTAGGTCTACCGCCTCAC	53	AGGTGGTGGTGGTGGTGTAT	54
	RAM0130	CGCTCATGATCGTGATCTCT	55	TCATGGGTGGTACAAACGAC	56
	RAM0131	ATGAGAAGCGTGGTCCAGAT	57	ATCCCAACACGAAAATCGAG	58
	RAM0134	TGCCACTGTCCAAGTACGAG	59	CACTCGCCAACTAAGTGCAA	60
	RAM0139	CAAGACCAAGACCGAGGAAG	61	TGATGTGCCAACCCCTTGTA	62
	RAM0140	CTTGTCTCTCGCTCCGATTC	63	GGACGATGAACCTGAAGCAT	64
	RAM0141	GCCCCAAAATTCAGAGTTCA	65	TGGATCAGCGAGAGTGTGAG	66
	RAM0142	CCCTAGAGGCGTTTGTGTGT	67	AACAATTTTGTCCCACTGCC	68
	RAM0144	TTCAACGGAACACAGTCAGC	69	AACACCTGAAATGGAATCGC	70
	RAM0145	CATAGAATGCATGTTGTGCC	71	TTGGGTGGTGTGAAATGTTG	72
	RAM0146	TTGAGGCAGAGGTGACACAG	73	AATGGAGTCAATCAGGGTGC	74
	RAM0147	GCAGAAGGAGGAGGAGGAGT	75	TAGAGGAGGATCGCTGGAGA	76
	RAM0148	ATTCCGTTTATGCCACGTC	77	ATAGCTCCGAGAGCGGTACA	78
	RAM0152	CACCAAGTCTTCTCTTGTCTTC	79	GTGCTTGCTCGACTTTTTTCC	80
	RAM0156	CGAACCTCATCTTTCGCTTC	81	AACACACCCCAATTATCCCA	82
	RAM0179	TTGGCTCTGGCTCTGGTTAT	83	GAGGAGGAAGATGACGACGA	84
	RAM0181	CGTCAAGCTTCACAAATCCA	85	CTTCTACAACCGCTCCTTCG	86
	RAM0182	CTTCGACGAGCGATGAATTT	87	GAGGTCTGGTGGACGAAGAG	88
	RAM0183	ACCCTAGCCTCTTGGTGGTT	89	CTTCTTCTTCGAACGAACCG	90
	RAM0185	CCTCCAGATCTCCACGTAA	91	TTCGATTTATCGGGTTTCGAG	92
	RAM0186	TCTCTTCTCTCCCGAATCA	93	GCTGAGGAGGGAGTTCATTG	94
	RAM0190	CCAACCCACAAAACTCAC	95	CGTCGCCATAGTTGTACGTG	96
	RAM0192	CTGAAGTTCAAGGCAGGAGG	97	AAAGGCAGAGGTGACACGAC	98
	RAM0200	AAAGCGGCTTATGTCGAGAA	99	AATTAAGAGAGCACGGAAGGG	100
	RAM0201	GACCGAATCTTTTCCACAA	101	AGTGGGTGTGTCTCTTTGG	102
	RAM0271	GCAAAACCTATGTGGCGATT	103	GACGCAGCAAACACTTCAAA	104
	RAM0279	ATCTCCTGCACCGTCTCAAC	105	GAAAATGCCACCTTCCAAGA	106
	RAM0282	AAACCCAAACCTTGCTTTC	107	TCTCTGCATGGCTTTGTACG	108
	RAM0290	GCCACAGCCACTCTTTCAGT	109	CGAGTTCTGAAACCGTCCAT	110
	RAM0296	ATTGGGCTATTGTGAGTCGG	111	TTCTCTCTTATGTACGCCAAGC	112
	RAM0298	CCATTTGCTGCTTCAACAGA	113	CGAGATTTGGAAGCGAAGAG	114
	RAM0340	CATTCCTAGCTTTGGAAGCG	115	CGTGCTGTTTTGGTTCTAGAGT	116
	RAM0359	GGGATGACACAGAGCAACAA	117	CGATCAGCTTGTCTGATGCG	118
	RAM0361	AGTCTTTGGCGTTGGAGAGA	119	AGAAGAGGGACCACCACCAT	120
	RAM0447	ACAGCAGCAGCAACAACAAC	121	ATTCCAGAAAACGACAACCG	122
	RAM0448	ACGAGCACTGCATGAAGGAG	123	CCACTGGGCTTAGTGAAAGC	124
	RAM0452	TGGGATAGCTTTGCCTTTGT	125	GGTTTTGGGGAGTGAAGTGA	126
	RAM0453	GATTCCGATTCACTTCTGTC	127	TTCCATGGACCTTCGAAAAC	128
	RAM0571	TGGGCTCATAGTCCAAAATG	129	GAGTTGACGTGAACACCACG	130
	RAM0578	TTGGGTAGTGAAGAGTGGGG	131	CTGTGTCACAACTCACAACCTCA	132
	RAM0580	TACAAGCCCTTCCACTTGCT	133	GCGAGCAGCTATAATACGCC	134
	RAM0586	GGAGAGAGAGGCGGAGATTT	135	AGCCACGCCATAGAGAAAGA	136
	RAM0598	ACGCTCATCCACAGATAGGG	137	TCCCTCAAGGCTAGTCGAA	138

RAM0609	AGCCGGATTAACGATGTGTC	139	GATCGATGAGTGGACTCGGT	140
RAM0611	GTGGGTAATGUGGAAAAGAG	141	GGGAGGCAAATCATCGTCTA	142
RAM0613	GATTTGGTTAGAGTCTGTGCTG	143	AAGTGGGCAACAAAACTGG	144
RAM0615	GCTTCAATCCTGATCTCCTCC	145	GGAAGCTGATTTGAGAAGCG	146
RAM0617	GGGTTGGGTTCTTCATCTCA	147	CCCTCCCTCTTCTCTCTGCT	148
b50	AACAATCCAGGAGTGGCAATC	149	ACAAGCGAAGATCGTCTCATC	150
b35	CGTTCAGTCACCAGCAAGG	151	GAGGGAAGCAGGGAGAGC	152
b38	TAATCCCTCAATGGCTCTTTTC	153	GAGAAGGATACGAATTGACAGG	154
b40	TGTATAGAAGTGAAGTAAATGATTG	155	CAACTTCTTAAACCACCTTTCG	156
b43	CGAGCCTTCTTCTTCTTCTGG	157	GCAAGCAATACGGACAGTAGG	158
c03	CGTGAAAATAGTGATATGTGTG	159	ACTGTAACAATCAAGAAGAAACC	160
c07	GCCACAGCCGAGGAAGAG	161	TCTCATCACCACCACCTTAGG	162
b27	AGCCAGGTTCCAGAAGTCC	163	CATAATCACAAAGTCTCGGTTCC	164
[0064] b28	TCCCACCACGGACTACTG	165	AACCACCATCATCATCATCATC	166
b11	GCGGAGGCTTAATTTGCTTTG	167	ACTCAATACATACACGGCACTAG	168
b16	ACCTCTACGGACCTCTTCTTC	169	CATAACATAACATGACACACAAGC	170
b24	GAGCCAGAGCCAGGTTC	171	ACAAAGTCTCGGTTCTTACAC	172
b34	AATAGAATGTGGAGGCGATAGAG	173	AAACCATAAATCAACTACCGAACC	174
b64	CTTGAGATACAGCCTTCCATTAG	175	CACACCTCGCTTCCCTTG	176
c17	GAAACTATTTCCACCAACAAAG	177	ACACACATTCCCTACACACC	178
b57	CGGATATGGTGGAGGTTATGC	179	CAGAACGACGACGACGAC	180
b65	ACGAACCACAACACAGAGAG	181	ACGAGGGAACACCAGAGAG	182
c18	AAGCCGAGCGTGAAGAAG	183	ACACACAGAAAGAACACAAGAC	184
b53	GGCTCAAGTTGCTCATAGATTC	185	CGGCTTCGCTTTAGGATTTG	186
b56	CGGTCTGTGGATACGAATGG	187	GACGACGACGACGATGATG	188
c10	AGTGCGGAGATAACTGTTC	189	GGCTACTTTATTCTAAACCAAC	190

[0065] 2.3群体结构分析

[0066] 利用STRUCTURE 2.2软件分析供试材料的群体结构。分析107个样品的群体结构。分别假设107个样品的分群数(K值)为2-17,进行聚类,根据 ΔK 峰值的位置来确定分群数,结果表明,当K=2时, ΔK 最大(图1),表明供试材料存在一定程度的群体结构,可以分为2个亚群。

[0067] 2.4亲缘聚类分析

[0068] 进化树用来表示物种之间的进化关系,根据各类生物间的亲缘关系的远近,把各类生物安置在有分枝的树状的图表上,简明地表示生物的进化历程和亲缘关系。基于各个样品在各SSR位点的基因型,利用K-means聚类算法,获得各样品间的进化树。从样品间的进化树上可以看出,各样品主要分为两大类(图2)。其中第一类包含87个品种,第二类包含20个品种。

[0069] 2.5连锁不平衡分析

[0070] 在某一群体中,不同座位上某两个位点同时遗传的频率明显高于预期的随机频率的现象,称连锁不平衡(linkage disequilibrium)。进行连锁不平衡分析,可以获得物种的最小的遗传单元。本研究以SSR位点为对象,利用TASSEL软件对95个多态性位点进行群体连锁不平衡分析,得到基因组内连锁不平衡的分布情况(图3)。试验得到总共95个标记的4465个组合,当 $P < 0.05$ 时,210个位点组合处于LD,占总位点组合数的4.70%;当 $P < 0.01$ 时,41个位点组合处于LD,占总位点组合数的0.92%;按 R^2 的范围, $R^2 > 0.01$ 的位点组合有2795个,占总位点组合数的62.6%; $R^2 > 0.05$ 的位点组合有1206个,占总位点组合数的27%; $R^2 > 0.1$ 的位

点组合有491个,占总位点组合数的11%。总之,本研究所使用的107个材料连锁不平衡水平很低,适合于全基因组关联分析策略进行初定位。

[0071] 2.6SSR位点与苧麻产量性状的关联分析

[0072] 为避免群体结构和亲缘关系的存在影响关联分析的准确性,应用Tassel 3.0软件,将核心种质各个体的Q值和Kinship值作为协变量,基于MLM模型进行株高表型变异对标记变异的回归分析,探求产量相关性状QTL的关联标记,并统计各位点的表型变异解释率。

[0073] 结果表明,头季麻、二季麻、三季麻分别检测到7个、13个、5个株高关联分子标记($p < 0.05$)。其中在两个环境中同时检测到的有6个。在头季麻和二季麻中可以被同时检测到的标记有RAM144、RAM123;在头季麻和三季麻无标记被同时检测到。在二季麻和三季麻中可以被同时检测到的标记有RAM598, RAM156, RAM130。RAM144、RAM130在两个环境中表型变异解释率均超过10%。

[0074] 头季麻、二季麻、三季麻分别检测到6个、3个、9个分株数关联分子标记($p < 0.05$)。其中在两个环境中可以被同时检测到的标记有2个。RAM147在二季麻和三季麻中被同时检测到,而RAM39在头季麻和二季麻中被同时检测到。RAM147在两个环境中表型变异解释率均超过15%。

[0075] 在检测到的多个稳定产量相关性状SSR标记中,其中3个分子标记同时与2个性状相关。其中RAM144与株高、出麻率相关;RAM156与株高、茎粗相关;RAM39与分株数和茎粗相关。

[0076] 表4 8个稳定产量相关性状关联SSR标记

[0077]

性状		头季麻	二季麻	三季麻
----	--	-----	-----	-----

[0078]

	标记	p 值	贡献率 (%)	p 值	贡献率 (%)	p 值	贡献率 (%)
株高	RAM144	0.00	22.25	0.04	14.33		
	RAM598			0.02	5.97	0.01	7.81
	RAM156			0.03	6.47	0.00	10.12
	RAM130			0.04	10.52	0.03	11.48
	RAM124	0.04	10.36	0.05	9.78		
	RAM123	0.00	26.59	0.02	8.61		
分株数	RAM147			0.02	16.04	0.01	19.63
	RAM39	0.04	9.75	0.00	21.12		

[0079] 讨论

[0080] 利用传统QTL作图方法进行苧麻性状QTL定位有很多不足。首先,由于分离群体仅涉及两个特定的亲本材料,因此只涉及同一基因座的两个等位基因(苧麻是杂合体,最多可涉及4个等位基因),定位的QTL可能不是优异等位基因(Magnus et al. 2008);其次,构建群体费时费力。苧麻构建一个群体从开始杂交到群体可以QTL定位,一切顺利的话需要3年。另外,由于苧麻杂交授粉技术的限制,构建过程外源花粉污染严重,获得苧麻的真实杂交后代困难。对真伪杂交种的鉴别就是一个很费时费力的工作,且构建的群体偏分离比较严重(邹自征, 2012)。因此,本发明利用自然群体作为分析群体,不仅可充分利用种质资源的遗传多

样性和优异等位基因,而且避免了构建群体的不足。

[0081] 群体结构是影响关联分析结果的重要因素,亚群的混合使整个群体的LD强度增强,容易造成伪关联。不同作物的遗传结构不同。例如,桃可分为7个亚群;青稞则被划分为4个亚群。同一作物不同的自然群体有时也会表现不同的群体结构。在大豆上的研究证实了这一点。前人关于苧麻的群体遗传结构报道不多,刘晨晨认为104份苧麻种质资源可划分为2大类群。本研究也得到相同的结论。因此,把苧麻种质资源划分为2大类群为降低苧麻的伪关联奠定了基础。

[0082] 连锁不平衡是关联分析的前提。自花授粉作物LD水平较高,而异花授粉作物LD水平较低。苧麻作为异花授粉作物,也表现出了较低的LD水平,与前人的结论相同。由于LD水平较低,进行全基因组关联分析需要较多的分子标记。而本研究所用的分子标记仅有95个,因此,本研究只是进行了粗略意义上的全基因组关联分析,只是一定意义上的粗定位。因此,为了得到更加可靠地结果,需要进一步扩大标记数目。

[0083] Liu通过连锁分析的方法报道了苧麻的产量性状QTL定位,共检测到9个稳定的QTL。本研究一共发现了8个与产量性状相关的稳定分子标记。其中,株高6个,分株数2个。对比了Liu的结果,未发现与其任何一个分子标记重合。

[0084] 在检测到的多个稳定分子标记中,都是头季麻和二季麻或者二季麻和三季麻同时检测到。未检测到头季麻和三季麻同时存在的分子标记。原因可能是苧麻是多年生作物,头季麻和二季麻以及二季麻和三季麻生理年龄相近,因此更容易挖掘到共有的分子标记。也暗示苧麻产量性状的基因表达与生理年龄有关,相对于一年生作物,其产量性状QTL定位更复杂。

[0085] 本发明中,表型性状的相关分析结果和关联分析结果表明,RAM144与株高、出麻率相关;RAM156与株高、茎粗相关;RAM39与分株数和茎粗相关。多种作物的QTL定位结果表明,QTL成簇分布和一因多效十分常见。本发明表型和分子结果均暗示这些标记附近可能存在着与2个性状相关的不同基因,或者可能存在同时控制2个性状的一个基因。以上研究为进行分子育种提供了便利。

[0086] 这里说明的模块数量和处理规模是用来简化本发明的说明的。对本发明的分子标记的应用、修改和变化对本领域的技术人员来说是显而易见的。

[0087] 如上所述,根据本发明,由于发现了与苧麻产量相关联的SSR标记,因此具有在分子水平上进行苧麻育种的指导,也对提高或稳定苧麻的产量提出了技术上的指导。

[0088] 尽管本发明的实施方案已公开如上,但其并不仅仅限于说明书和实施方式中所列运用,它完全可以被适用于各种适合本发明的领域,对于熟悉本领域的人员而言,可容易地实现另外的修改,因此在不背离权利要求及等同范围所限定的一般概念下,本发明并不限于特定的细节和这里示出与描述的图例。

CN16B6185A_序列表(1).txt
SEQUENCE LISTING

<110> 中国农业科学院麻类研究所
<120> 与苧麻产量关联的SSR标记及其应用
<130> 2010
<160> 190
<170> PatentIn version 3.5

<210> 1
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 1
tcagtgtact atgcgtatgg gg
22

[0001] <210> 2
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 2
tggggttcca gcagtaagac
20

<210> 3
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 3
caaagcttga gcaaccatga
20

<210> 4
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 4

agacgagaaa gagegagctg
20

<210> 5
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 5
ctgggcatcc aaacagagtt
20

<210> 6
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 6
agcatcgctc tctctatcgc
20

[0002]

<210> 7
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 7
ccacccacct acaacgaaat
20

<210> 8
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 8
gaagctgatg gagtgccttc
20

<210> 9
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 9
ggcataggga gtgaaccaa
20

<210> 10
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 10
gaaacgcacc cttaatccaa
20

<210> 11
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 11
cctctcggct ctctctctca
20

[0003]

<210> 12
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 12
cgtgatcgat atggtgatcg
20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 13
gactttgate gagtgcgaca
20

<210> 14
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 14
ttctgttccc taagctccga
20

<210> 15
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 15
cagaggaate atcagcacca
20

<210> 16
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

[0004] <400> 16
aaaggctggg tgatttggtg
20

<210> 17
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 17
tcgatcccca taagatcctg
20

<210> 18
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 18
aacaacatca accacacgga
20

	<210> 19
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 19
	attctgctgc tgctgtetca
	20
	<210> 20
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 20
	aggccaaaag catcttctca
	20
	<210> 21
	<211> 18
	<212> DNA
[0005]	<213> 人工序列
	<400> 21
	gaggttggcg gaggagat
	18
	<210> 22
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 22
	acgctctact agcctttggg
	20
	<210> 23
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 23
	gagattccgg ggacgtaa
	20

	<210>	24
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	24
		acgacgagaa ggagtggaaa
		20
	<210>	25
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	25
		aaagagaaga gagggtcggc
		20
[0006]	<210>	26
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	26
		ccaacgttgt gtcgtttcac
		20
	<210>	27
	<211>	22
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	27
		gctttgaaag agagagtgag ag
		22
	<210>	28
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	28

acacagatcc aacatgccaa
20

<210> 29
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 29
acatggcttg gcttctgagt
20

<210> 30
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 30
ccctttctgg ttctgggttt
20

[0007]

<210> 31
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 31
gcttgacctt gaagaggacc
20

<210> 32
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 32
tcagcaacaa caacacgaca
20

<210> 33
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 33
aagaggatga gagccaagca
20

<210> 34
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 34
ctttacaaaa cggcgtgaca
20

<210> 35
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 35
ccaatagctt cttcttcgct g
21

[0008]

<210> 36
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 36
atgagcttgt tggagcttgg
20

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 37
ccaaggaagg cgtcttgata
20

<210> 38
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 38
ctcgcgtgaag aacgtgttga
20

<210> 39
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 39
gctgctctgg cttggactc
19

<210> 40
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

[0009] <400> 40
gaggtgcatt acagaggcgt
20

<210> 41
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 41
gtttgggttt gggaagacct
20

<210> 42
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 42
tgatctgagt gtggaaagcg
20

[0010]	<210>	43
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	43
		gggtgcttag cttetccctt
		20
	<210>	44
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	44
		gtcgtgtttg acgatggttg
		20
	<210>	45
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	45
		gcgtagagga tcaccagacc
		20
	<210>	46
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	TCGTCTTCAACCAACAACCA
	<400>	46
		tcgtettcaa ccaacaacca
		20
	<210>	47
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	47
		caaaacggtg acgtacagga
		20

	<210> 48
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 48
	cgaaacccag aagcagaaga
	20
	<210> 49
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 49
	cggaaattcg atcggagata
	20
[0011]	<210> 50
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 50
	aagcttttcc atgactggga
	20
	<210> 51
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 51
	tgatctcate acctecacca
	20
	<210> 52
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 52

ttgctaacaa gggccgatac
20

<210> 53
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 53
tggtaggtct accgcctcac
20

<210> 54
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 54
aggtggtggt ggtggtgtat
20

[0012]

<210> 55
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 55
cgctcatgat cgtgatctct
20

<210> 56
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 56
tcatgggtgg taaaaacgac
20

<210> 57
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 57
atgagaagcg tggtecagat
20

<210> 58
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 58
atcccaacac gaaaatcgag
20

<210> 59
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 59
tgccactgtc caagtacgag
20

[0013]

<210> 60
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 60
cactcgccaa ctaagtgcaa
20

<210> 61
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 61
caagaccaag accgaggaag
20

<210> 62
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 62
tgatgtgcca acccttgtaa
20

<210> 63
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 63
cttgtctctc gctccgattc
20

<210> 64
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

[0014]

<400> 64
ggacgatgaa cctgaagcat
20

<210> 65
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 65
gcccaaaatt ccagagttca
20

<210> 66
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 66
tggatcagcg agagtgtgag
20

	<210> 67
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 67
	ccctagaggc gtttgtgtgt
	20
	<210> 68
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 68
	aacaattttg tcccactgcc
	20
	<210> 69
	<211> 20
	<212> DNA
[0015]	<213> 人工序列
	<400> 69
	ttcaacggaa cacagtcagc
	20
	<210> 70
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 70
	aacacctgaa atggaatgcg
	20
	<210> 71
	<211> 20
	<212> DNA
	<213> 人工序列
	<400> 71
	catagaatgc atgttgtgcc
	20

	<210>	72
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	72
		ttgggtggtg tgaaatgttg
		20
	<210>	73
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	73
		ttgaggcaga ggtgacacag
		20
[0016]	<210>	74
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	74
		aatggagtca atcagggtgc
		20
	<210>	75
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	75
		gcagaaggag gaggaggagt
		20
	<210>	76
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	76

tagaggagga tcgctggaga
20

<210> 77
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 77
atttccgttt atgccacgtc
20

<210> 78
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 78
atagctccga gagcggtaca
20

[0017]

<210> 79
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 79
caccaagtct tctcttgtct tc
22

<210> 80
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 80
gtgcttgctc gactttttcc
20

<210> 81
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 81
cgaacctcat ctttegettc
20

<210> 82
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 82
aacacacccc aattatccca
20

<210> 83
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 83
ttggctctgg ctctggttat
20

[0018]

<210> 84
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 84
gaggaggaag atgacgacga
20

<210> 85
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 85
cgtcaagctt cacaaatcca
20

<210> 86
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 86
cttctacaac cgtccttcg
20

<210> 87
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 87
cttcgacgag cgatgaattt
20

<210> 88
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

[0019] <400> 88
gaggtctggt ggacgaagag
20

<210> 89
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 89
accctagcct cttggtggtt
20

<210> 90
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 90
cttcttcttc gaacgaaccg
20

[0020]	<210>	91
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	91
		cctccagatc tcccacgtaa
		20
	<210>	92
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	92
		ttcgatttat cgggttcgag
		20
	<210>	93
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	93
		tetctttctct ccccgaaatca
		20
	<210>	94
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	94
		gctgaggagg gagttcattg
		20
	<210>	95
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	95
		ccaacccac aaaaactcac
		20

	<210>	96
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	96
		aaaggcagag gtgacacgac
		20
	<210>	97
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	97
		ctgaagttca aggcaggagg
		20
[0021]	<210>	98
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	98
		aaaggcagag gtgacacgac
		20
	<210>	99
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	99
		aaagcggtt atgtcgagaa
		20
	<210>	100
	<211>	21
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	100

aattaagaga gcacggaagg g
21

<210> 101
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 101
gaccgaatct tttcccacaa
20

<210> 102
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 102
agtgggtgtg tctcctttgg
20

[0022]

<210> 103
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 103
gcaaaaccta tgtggcgatt
20

<210> 104
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 104
gacgcagcaa acacttcaaa
20

<210> 105
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 105
atctectgca cegtetcaac
20

<210> 106
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 106
gaaaatgcca ccttccaaga
20

<210> 107
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 107
aaaccctaaac cettgctttc
20

[0023]

<210> 108
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 108
tctctgcatg gctttgtacg
20

<210> 109
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 109
gccacagcca ctctttcagt
20

<210> 110
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 110
cgagttctga aaccgtccat
20

<210> 111
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 111
attgggctat tgtgagtcgg
20

<210> 112
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

[0024] <400> 112
ttctctotta tgtacgccaa gc
22

<210> 113
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 113
ccatttgctg cttcaacaga
20

<210> 114
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 114
cgagatttgg aagcgaagag
20

<210> 115
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 115
cattcctagc tttggaagcg
20

<210> 116
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 116
cgtgctgttt tggttctaga gt
22

[0025] <210> 117
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 117
gggatgacac agagcaacaa
20

<210> 118
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 118
cgatcagctt gtcgtagtcg
20

<210> 119
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 119
agtctttggc gttggagaga
20

	<210> 120 <211> 20 <212> DNA <213> 人工序列 <400> 120 agaagaggga ccaccaccat 20
	<210> 121 <211> 20 <212> DNA <213> 人工序列 <400> 121 acagcagcag caacaacaac 20
[0026]	<210> 122 <211> 20 <212> DNA <213> 人工序列 <400> 122 attccagaaa acgacaaccg 20
	<210> 123 <211> 20 <212> DNA <213> 人工序列 <400> 123 acgagcactg catgaaggag 20
	<210> 124 <211> 20 <212> DNA <213> 人工序列 <400> 124

ccactgggct tagtgaaagc
20

<210> 125
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 125
tgggatagct ttgcctttgt
20

<210> 126
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 126
ggttttgggg agtgaagtga
20

[0027]

<210> 127
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 127
gattccgatt cagcttctgc
20

<210> 128
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 128
ttccatggac cttcgaaaac
20

<210> 129
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 129
tgggetcata gtccaaaatg
20

<210> 130
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 130
gagttgacgt gaacaccacg
20

<210> 131
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 131
ttgggtagtg aagagtgggg
20

[0028]

<210> 132
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 132
ctgtgtcaca actcacaact ca
22

<210> 133
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 133
tacaagecct tccacttget
20

<210> 134
<211> 20

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 134
gcgagcagct ataatacgcc
20

<210> 135
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 135
ggagagagag gcggagattt
20

<210> 136
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

[0029] <400> 136
agccacgcca tagagaaaga
20

<210> 137
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 137
acgctcatcc acagataggg
20

<210> 138
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 138
tcccttcaag gctagtcgaa
20

<210> 139
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 139
agccggatta acgatgtgtc
20

<210> 140
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 140
gatcgatgag tggactcggt
20

[0030]

<210> 141
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 141
gtgggtaatg cggaaaagag
20

<210> 142
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 142
gggaggcaaa tcatcgtcta
20

<210> 143
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 143
gatttggtta gagtctgtgc tg
22

	<210>	144
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	144
		aagtgggcaa caaaaactgg
		20
	<210>	145
	<211>	21
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	145
		getteaatce tgateteete c
		21
[0031]	<210>	146
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	146
		ggaagctgat ttgagaagcg
		20
	<210>	147
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	147
		gggttgggtt cttcatctca
		20
	<210>	148
	<211>	20
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	148

ccctccctct tctctctgct
20

<210> 149
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 149
aacaatccag gagtggcaat c
21

<210> 150
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 150
acaagcgaag atcgtctcat c
21

[0032]

<210> 151
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 151
cgttcagtca ccagcaagg
19

<210> 152
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 152
gagggaagca gggagagc
18

<210> 153
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 153
taatecctca atggetcttt te
22

<210> 154
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 154
gagaaggata cgaattgaca gg
22

<210> 155
<211> 24
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 155
tgtatagaac tgagtaaattg attg
24

[0033]

<210> 156
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 156
caactttctt aaaccacttt cg
22

<210> 157
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 157
cgagccttct tcttcttctg g
21

<210> 158
<211> 21

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 158
gcaagcaata cggacagtag g
21

<210> 159
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 159
cgtgaaaata gtgatatgtg tg
22

<210> 160
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

[0034] <400> 160
actgtaacaa tcaagaagaa acc
23

<210> 161
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 161
gccacagccg aggaagag
18

<210> 162
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 162
tctcatcacc accaccttag g
21

<210> 163
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 163
agccaggttc cagaagtcc
19

<210> 164
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 164
cataatcaca aagtctcggt tcc
23

[0035] <210> 165
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 165
teccaccacg gactactg
18

<210> 166
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 166
aaccaccatc atcatcatca tc
22

<210> 167
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 167
gcggaggctt aatttgcttt g
21

	<210>	168
	<211>	23
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	168
		actcaataca tacacggcac tag
		23
	<210>	169
	<211>	21
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	169
		acctetaegg acctettett c
		21
[0036]	<210>	170
	<211>	24
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	170
		cataacataa catgacacac aage
		24
	<210>	171
	<211>	18
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	171
		gagccagage caggttcc
		18
	<210>	172
	<211>	22
	<212>	DNA
	<213>	人工序列
	<400>	172

acaaagtctc ggttccttac ac
22

<210> 173
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 173
aatagaatgt ggaggcgata gag
23

<210> 174
<211> 24
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 174
aaaccataaa tcaactaccg aacc
24

[0037]

<210> 175
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 175
cttgagatac agccttccat tag
23

<210> 176
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 176
cacacctcgc ttcccttg
18

<210> 177
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 177
gaaactatattt ccaccaacaa ag
22

<210> 178
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 178
acacacattc ctacacacc
19

<210> 179
<211> 21
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 179
cggatatggt ggaggttatg c
21

[0038]

<210> 180
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 180
cagaacgacg acgacgac
18

<210> 181
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 181
acgaaccaca acacagagag
20

<210> 182
<211> 19

<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 182
acgagggaac accagagag
19

<210> 183
<211> 18
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 183
aagccgagcg tgaagaag
18

<210> 184
<211> 22
<212> DNA
<213> 人工序列

[0039]

<400> 184
acacacagaa agaacacaag ac
22

<210> 185
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 185
ggctcaagtt tgctcataga ttc
23

<210> 186
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 186
cggcttcgct ttaggatttg
20

<210> 187
<211> 20
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 187
cggctctgtgg atacgaatgg
20

<210> 188
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 188
gacgacgacg acgatgatg
19

[0040]

<210> 189
<211> 19
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 189
agtgcggaga taactgttc
19

<210> 190
<211> 23
<212> DNA
<213> 人工序列

<400> 190
ggctacttta ttctaaacca aac
23

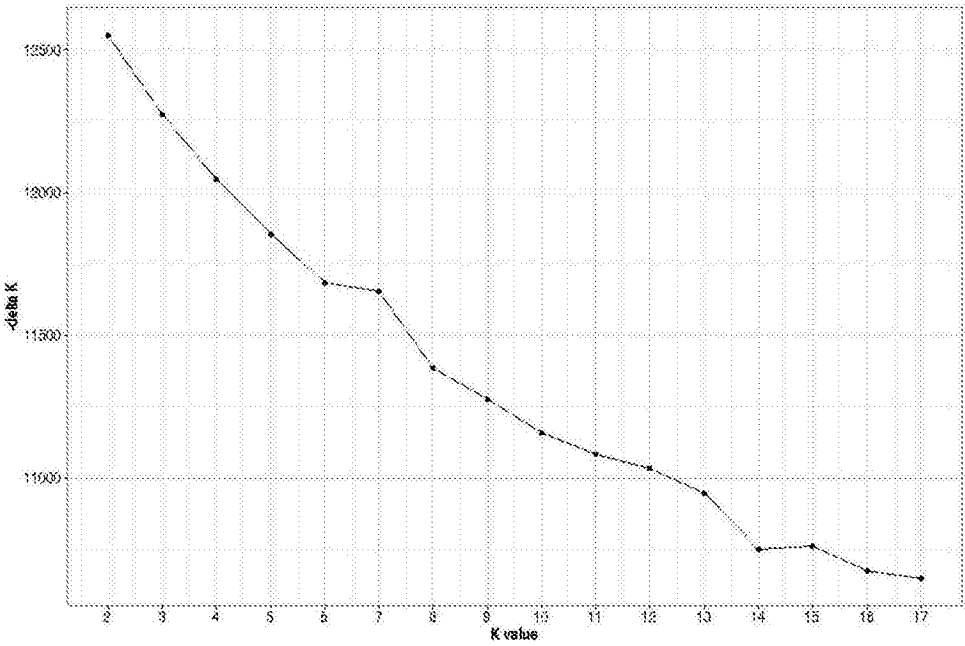


图1

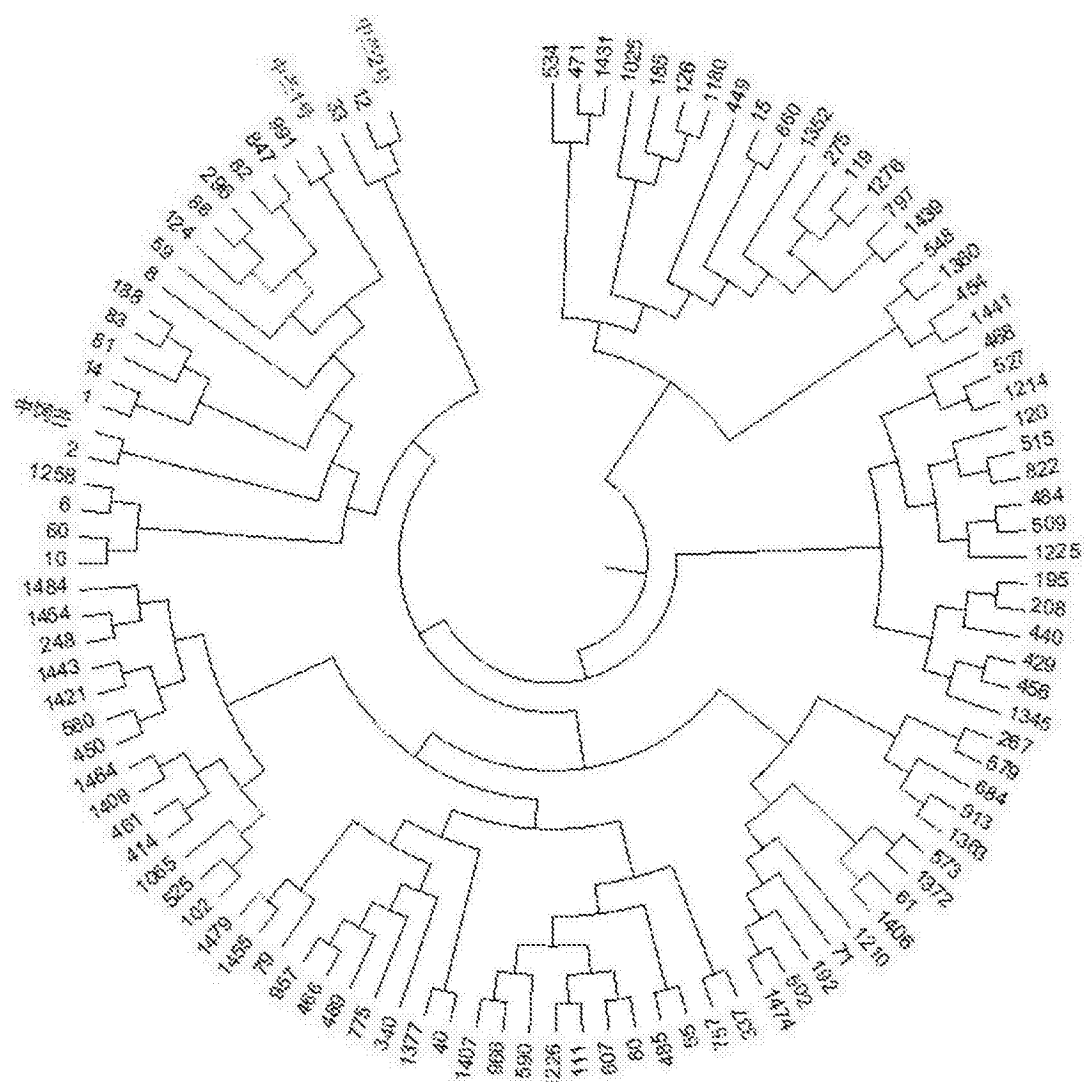


图2

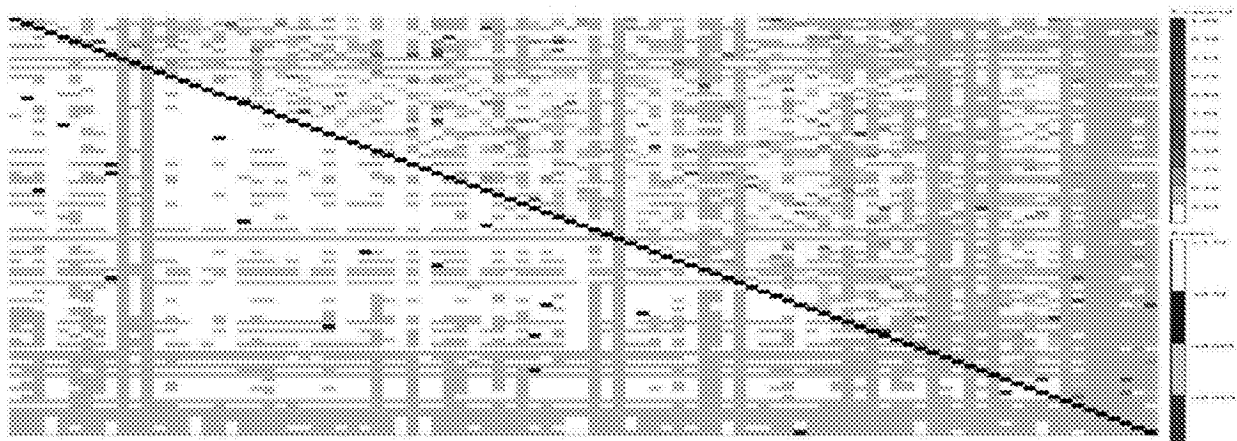


图3